

LEBENS LAUF

Alex Finck

Albrechtstr. 62a

12167 Berlin

Ort und Datum der Geburt: 25.06.1972 in Mulhouse, FRANKREICH

Familienstand: ledig, eine Tochter

Mobil: +49 (0)179 134 5558

Privat: +49 (0)30 5514 6981

E-Mail: alex.finck.berlin@gmail.com



SCHWERPUNKT

Anwendung der Informatik in den Biologie-, Medizin- und Umwelt-Bereichen

ARBEITSERFAHRUNGEN

Dez. 2011 - Juli 2012	<p>Vollzeit: Erstellung des Liferay basierten Portals enalgae.htw-saarland.de. Dieses erlaubt einen gesicherten und rollenbasierten Zugang zu angepassten Forum- und Wiki-Funktionalitäten, die wichtige Parameter des Wachstums von Algen dokumentieren. Import- und Export-Funktionalitäten von Datensätzen wurden anhand Vaadin, JPA (über EclipseLink), MySQL und R entwickelt.</p> <p><u>Hochschule für Technik und Wirtschaft des Saarlandes – Saarbrücken</u></p>
Aug. 2010 – Sept. 2011	<p>Vollzeit: Weiterentwicklung in den Programmiersprachen Java/Eclipse RCP und R von neuen Funktionalitäten einer Modell-basierten (AndroMDA) Desktop-Anwendung für Pflanzenzüchter. Neu-entwickelte Funktionalitäten erleichtern eine Suche nach Quantitative Trait Loci (QTLs) und eine Korrektur von geostatistischen Effekten in Ergebnissen von agronomischen Feldexperimenten.</p> <p><u>Max-Planck-Institut für Molekulare Pflanzenphysiologie – Wissenschaftspark Potsdam-Golm</u></p>
Aug. 2008 – Juli 2010	<p>Vollzeit: Entwurf und Entwicklung von web-basierten Systemen zur Pflege einer Klassifikation der biologischen Funktionen von Genen und deren Produkten. Die Software-Architektur auf der Server-Seite besteht aus Oracle 11g/ SQL, Perl/ CGI/ Apache, GWT (über GXT)/ Tomcat; auf der Client-Seite wird Javascript verwendet. Außerdem Weiterentwicklung der C# basierten Desktop Anwendung <u>Xeml Interactive Designer</u> zur Dokumentation von Metadaten eines biologischen Experimentes.</p> <p><u>Max-Planck-Institut für Molekulare Pflanzenphysiologie – Wissenschaftspark Potsdam-Golm</u></p>
Juli 2008	<p>Vollzeit: Entwurf einer Firmeninternen-Spezifikation zur Entwicklung eines Sicherheitskonnektors für den Datenaustausch zwischen der deutschen Gesundheitskarte und der entsprechenden informatischen Infrastruktur.</p> <p><u>OPENLiMiT – Berlin</u></p>

ARBEITSERFAHRUNGEN

Nov. 2007 – Dez. 2007	<p>selbständige Tätigkeit: Entwurf einer Abbildung von einem proprietären Datenformat zur Verwaltung von medizinischen Notfällen in das internationale Austauschformat HL7 CDA Release 2.</p> <p><u>Ifremmont</u> – <i>Chamonix (FRANKREICH)</i></p>
Okt. 2005 – Dez. 2007	<p>Teilzeit: technische Projektverwaltung neben Programmierungsaufgaben anhand Visual Basic/ Perl/ XML/ Oracle im Zusammenhang mit dem <i>Informationssystem Chemikaliensicherheit (ICS)</i>.</p> <p><u>Umwelbundesamt FG IV 2.1</u> – <i>Dessau</i></p>
Juni 2005 – Aug. 2005	<p>Studentenjob: Durchführung von Tests anhand Testfälle und Programmierung von automatisierten Tests anhand Java/ Eclipse/ Jaxen/ Xerces/ Xalan/ XPath für einen XML Datenaustauschprojekt.</p> <p><u>Kassenärztliche Bundesvereinigung</u> – <i>Berlin</i></p>
Feb. 2004 – Jan. 2005	<p>Praktikum: Entwurf und Entwicklung einer Methode zum Zweck der Auswertung von Ergebnissen von large-scale biologischen Experimenten (RNAi Versuchen und microarray Experimenten) unter Verwendung der Programmiersprache R.</p> <p><u>Novartis Pharma AG</u> – <i>Basel (SCHWEIZ)</i></p>
Feb. 2001 – März 2003	<p>Vollzeit: Programmierung, Anwendung von Java/ Corba/ CGI/ Perl/ Oracle/ MySQL mit einer Agile Methodik und UML. Fokussierung auf die Einführung eines Untersystems des Laborinformationsmanagementsystems (LIMS) sowie dessen Verbesserung.</p> <p><u>Epigenomics AG</u> – <i>Berlin</i></p>
Dez. 2000 – Jan. 2001	<p>Vollzeit: Programmierung, Anwendung von Zope/ Python. Hierbei handelt es sich um ein Kurzprojekt am LIMS des Unternehmens.</p> <p><u>Cenix Bioscience GmbH</u> – <i>Heidelberg</i></p>
April 1998 – Juni 2000	<p>Vollzeit: Programmierung in der Forschungsabteilung des Europäischen Instituts für Bioinformatik. Wartung der Datenbank, des Programms und des Webservers unter Verwendung von Perl; Arbeit auf der Systemverwaltungsebene unter UNIX.</p> <p><u>Europäisches Institut für Bioinformatik</u> – <i>Cambridge (GROSSBRITANIEN)</i></p>
Aug. 1997 – April 1998	<p>Wehrdienst: EDV-Wartung und Software-Entwicklung.</p> <p><i>Ecole Militaire de Haute-Montagne</i> – <i>Chamonix (FRANKREICH)</i></p>
Feb. 1996 – Aug. 1996	<p>Studienabschlussprojekt: Entwicklung von objektbezogenen Programmen in C++ und Visual Basic in Zusammenarbeit mit Ärzten. Das Hauptprogramm betrifft die Messung des Luftwiderstands der oberen Atemwege beim Schlafapnoesyndrom.</p> <p><i>Hôpital Civil</i> – <i>Strasbourg (FRANKREICH)</i></p>
Sept. 1994 – Feb. 1995	<p>Praktikum: Untersuchung des möglichen Einsatzes von 3D-Bildsoftware im Krankenhaus</p> <p><u>Centre de Recherche Public Henri Tudor</u> – <i>Luxemburg (LUXEMBURG)</i></p>

STUDIUM / WEITERBILDUNG	
27 – 28 Aug. 2007	Standard zur Gestaltung von IT Service Prozessen – unter Nutzung von ITIL (IT Infrastructure Library) Bundesakademie für öffentliche Verwaltung – <i>Berlin</i>
03 – 05 April 2006	Das V-Modell XT für Projektleiter Bundesakademie für öffentliche Verwaltung – <i>Brühl</i>
Okt. 2002 – Sept. 2009	Masterstudiengang der Bioinformatik <u>Freie Universität Berlin</u> – <i>Berlin</i>
April 1997	Abschluss als Ingenieur der Biomedizin – Ingénieur des Grandes Ecoles <u>Université de Technologie de Compiègne</u> – <i>Compiègne (FRANKREICH)</i>
Juni 1993	Abschluss eines 2-jährigen Studiendiploms (als zu den 10% der besten Absolventen gehörend) in Mathematik, Physik, Chemie, Spezialisierung auf Materialkunde <u>Université de Haute-Alsace</u> – <i>Mulhouse (FRANKREICH)</i>

TECHNISCHE FACHKENNTNISSE (S: sehr gut; D: durchschnittlich; G: Grundkenntnisse)	
Betriebssysteme	Linux (D), Mac OS X (D), Windows (D)
Programmiersprachen und Standards	Java (S), HTML/ CSS (S), R (D), Perl (D), Javascript (D), SQL (D), C# (D), Visual Basic/ VBA (D), sh (D), XML (D), UML (D), Design Patterns (D), PLSQL (G), Python (G)
Software/ Datenbanken	Eclipse (S), Emacs (S), Liferay (S), Microsoft Visual Studio (D), MySQL (D), Apache Subversion (D), Oracle/ SQL Developer (D), VirtualBox (D), Apache Ant (G), Apache Maven (G), Apache Tomcat (G), Oxygen XML (G), Zope (G), PostgreSQL (G)
Software Bibliotheken	Vaadin (S), GWT (S), JPA (D), Perl/ CGI (D), jQuery (D), Eclipse RCP (D), Dhtmlx (D), JUnit (D), EclipseLink (D), JAXP (D), Xalan (D), Log4j (D), Xerces (G), Aspectj (G)
Bioinformatik	Rhea/ ChEBI (D), Blast (D), Ensembl (D), Bioconductor (G)

FREMDSPRACHENKENNTNISSE	
Deutsch	Fließend
Englisch	Fließend
Französisch	Muttersprache

VERÖFFENTLICHUNGEN	
Hannemann, J.; Poorter, H.; Usadel, B.; Bläsing, O. E.; Finck, A. ; Tardieu, F.; Atkin, O. K.; Pons, T.; Stitt, M. & Gibon, Y. (2009), 'Xeml Lab: a tool that supports the design of experiments at a graphical interface and generates computer-readable metadata files, which capture information about genotypes, growth conditions, environmental perturbations and sampling strategy.', <i>Plant Cell Environ</i> 32 (9), 1185--1200.	
Poorter, H.; Fiorani, F.; Stitt, M.; Schurr, U.; Finck, A. ; Gibon, Y.; Usadel, B.; Munns, R.; Atkin, O.; F. T. & Pons, T. (2012), 'The art of growing plants for experimental purposes; a practical guide for the plant biologist.', <i>Funct. Plant Biol.</i> , -.	